支原体检测报告

Mycoplasma Detection Report

检品名称：细胞

检测单位：赛百慷（上海）生物技术股份有限公司

报告日期：2024-4-5

样品信息

样品编号：

编号	细胞名称
1	SNU449
2	HT-29
3	HCC1428
4	MARC145

样品数量：4

检测项目：PCR 法检测支原体

检测步骤

1 样品准备

取 1 毫升细胞培养上清（贴壁和悬浮细胞都可以,最好已培养 48 小时以上），在 16000g 离心 5 分钟，小心弃去上清，避免丢失沉淀（沉淀量有可能很少，目视看不到）。将沉淀用无菌 PBS 重悬，在 16000g 离心 5 分钟，同样小心弃去上清，如此反复用无菌 PBS 洗三次。最后将获得的沉淀用 100 微升超纯水重悬，置于 100℃水浴中孵育 5 分钟，如此获得的 DNA 可在 4 度保存 1 到 2 个月。对于组成成份较复杂的组织样本或拭子，建议使用 DNA 抽提试剂盒提取 DNA，用于 PCR 反应。

2 支原体检测

2.1 PCR 体系：

管 / 项目	阴标	阳标	待检测样	待检测样+阳标
待测样品	-	-	2 μL	2 μL
阴标	2 μL	-	-	-
阳标	-	2 μL	-	2 μL
预混体系	22 μL	22 μL	22 μL	22 μL

2.2 PCR 程序：

温度	94 ℃	94 ℃	68 ℃	72 ℃	94 ℃	60 ℃	72 ℃	72 ℃	4 ℃
时间	3 min	30 s	30 s	30 s	30 s	30 s	30 s	3 min	∞
循环数	1	8 cycles，-1 ℃ / cycle			32			1	1

2.3 PCR 产物检测：

2.3.1 配制 1.5 %琼脂糖凝胶，加热后加入适量 GELRED 用于紫外灯下显色。

2.3.2 吸取 5 μL PCR 反应后的样品进行上样，DNA marker 上样量为 5 μL。

2.3.3 电泳条件：电压为 120 v，20 min 左右（可以根据实际情况进行时间调整）。

2.3.4 电泳结束后，置于凝胶成像仪上拍照并保存结果。

3 结果分析

本试剂盒中的阳标大小为 700 bp。支原体阳性的 PCR 扩增大小为 500 bp 左右。

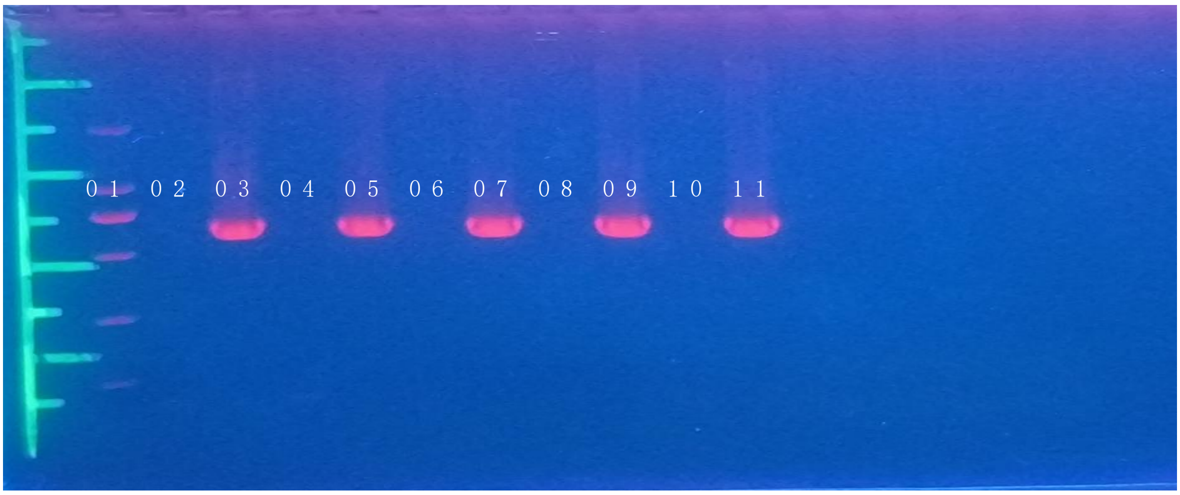
检 测 结 果

(一)样本对应编号

从左至右依次

跑胶编号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
对应样品	Marker	阴标	阳标	SNU449	SNU449+阳标	HT-29	HT-29 阳标	HCC1428	HCC1428 阳标	MARC145	MARC145 阳标

(二)PCR 检测结果图片



SNU449/ HT-29 / HCC1428 / MARC145

四个细胞支原体检测结果均为阴性，细胞无支原体污染。

主要实验人员:曾爱民

复核人：张丽莉

负责人：霍超超

签发日期：2024-4-5

支原体检测报告

Mycoplasma Detection Report

检品名称：细胞

检测单位：赛百慷（上海）生物技术股份有限公司

报告日期：2024-6-2

样品信息

样品编号：

编号	细胞名称
1	hepG2
2	L929
3	HCT116
4	人胰腺癌细胞相关成纤维细胞

样品数量：4

检测项目：PCR 法检测支原体

检测步骤

1 样品准备

取 1 毫升细胞培养上清（贴壁和悬浮细胞都可以,最好已培养 48 小时以上），在 16000g 离心 5 分钟，小心弃去上清，避免丢失沉淀（沉淀量有可能很少，目视看不到）。将沉淀用无菌 PBS 重悬，在 16000g 离心 5 分钟，同样小心弃去上清，如此反复用无菌 PBS 洗三次。最后将获得的沉淀用 100 微升超纯水重悬，置于 100℃水浴中孵育 5 分钟，如此获得的 DNA 可在 4 度保存 1 到 2 个月。对于组成成份较复杂的组织样本或拭子，建议使用 DNA 抽提试剂盒提取 DNA，用于 PCR 反应。

2 支原体检测

2.1 PCR 体系：

项目 \ 管	阴标	阳标	待检测样	待检测样+阳标
待测样品	-	-	2 μL	2 μL
阴标	2 μL	-	-	-
阳标	-	2 μL	-	2 μL
预混体系	22 μL	22 μL	22 μL	22 μL

2.2 PCR 程序：

温度	94 ℃	94 ℃	68 ℃	72 ℃	94 ℃	60 ℃	72 ℃	72 ℃	4 ℃
时间	3 min	30 s	30 s	30 s	30 s	30 s	30 s	3 min	∞
循环数	1	8 cycles，-1 ℃ / cycle			32			1	1

2.3 PCR 产物检测：

2.3.1 配制 1.5 %琼脂糖凝胶，加热后加入适量 GELRED 用于紫外灯下显色。

2.3.2 吸取 5 μL PCR 反应后的样品进行上样，DNA marker 上样量为 5 μL。

2.3.3 电泳条件：电压为 120 v，20 min 左右（可以根据实际情况进行时间调整）。

2.3.4 电泳结束后，置于凝胶成像仪上拍照并保存结果。

3 结果分析

本试剂盒中的阳标大小为 700 bp。支原体阳性的 PCR 扩增大小为 500 bp 左右。

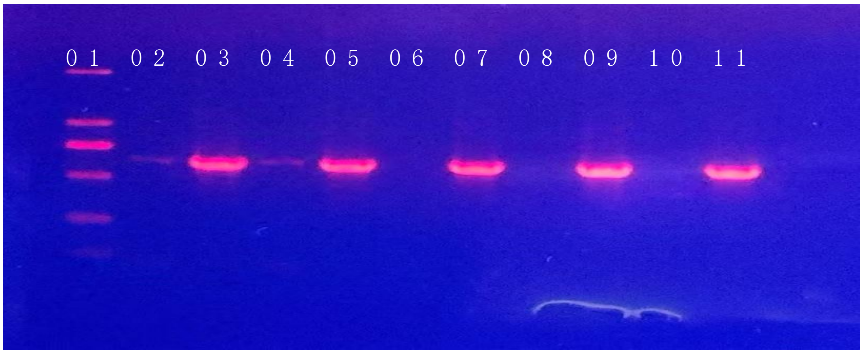
检 测 结 果

(一)样本对应编号

从左至右依次

跑胶编号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
对应样品	Marker	阴标	阳标	hepG2	hepG2+阳标	L929	L929+阳标	HCT116	HCT116+阳标	人胰腺癌相关成纤维细胞永生化	人胰腺癌相关成纤维细胞永生化+阳标

(二)PCR 检测结果图片



hepG2/L929/HCT116/人胰腺癌相关成纤维永生化

四个细胞支原体检测结果均为阴性，细胞无支原体污染。

主要实验人员:张敏

复核人：张丽莉

负责人：霍超超

签发日期：2024-6-2

细胞遗传质量鉴定检测

Cell Line Authentication Service

STR 基因型检测报告

送检单位： 镜像绮点
检品名称： 细胞系
检测单位： 上海翼和应用生物技术有限公司
报告日期： 2024-02-29

报 告 说 明

1. 本报告只对送检的来样负责。
2. 检验报告上的检验结果和检验单位名称，未经同意不得用于广告、评优及商业宣传。
3. 对本报告有异议，请于收到报告之日起十五日内以书面方式提出，逾期不予受理。
4. 对纸质检验报告涂改、增删，或未加盖检验单位印章的复印件均无效。

样 品 信 息

样品编号：

客户样本编号	公司编号
SNU449	20240226-01

样品数量： 1

样品性状： 细胞系

检测项目： STR

送检单位： 镜像绮点

检测方法： 用 Axygen 的基因组抽提试剂盒提取 DNA，采用 21- STR 扩增方案扩增，在 ABI 3730XL 型遗传分析仪上对 STR 位点和性别基因 Amelogenin 进行检测。

检 测 结 果

(一) 检验基本情况

公司编号	多等位基因	匹配细胞系	细胞库	EV 值	匹配说明
20240226-01	无	SNU-449	EXPASY	1.0	完全匹配

样本基因型检验结果

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。
- 本次检测各细胞分型结果良好。

(二) 各样本描述

- 20240226-01：该株细胞 DNA 分型在细胞系检索中找到**完全匹配**的细胞系，EXPASY 数据库显示细胞名为 **SNU-449**，细胞号对应 **CVCL_0454**。本次检测在该细胞系中**没有发现多等位基因**。

EV	Cell No.	Cell name	Locus names								
			D5S818	D13S317	D7S820	D16S539	VWA	TH01	AM	TPOX	CSF1PO
	Query (Your Cell)		10,10	9,9	8,13	9,9	14,16	6,9	X,X	11,11	11,11
1.0(36/36)	CVCL_0454	SNU-449	['10', '10']	['9', '9']	['8', '13']	['9', '9']	['14', '16']	['6', '9']	['X', 'X']	['11', '11']	['11', '11']

备注：待测细胞系与收录于 ATCC, DSMZ（DSMZ 收录了来自 ATCC、 DSMZ、JCRB 和 RIKEN 等 2490 株细胞的 STR 数据）, ExPASy 细胞库（ExPASy 收录了来自于 ATCC、DSMZ、JCRB、ECACC 和 Riken 等数据库约 8,000 株人源细胞 STR 数据）中的 STR 数据匹配，未收录于上述细胞库的细胞将无法匹配。根据 ATCC 标准委员会鉴定标准（ANSI/ATCC ASN-0002-2022）,匹配度 EV≥80%认为它们具有相关性，可能衍生于共同的祖先细胞；匹配度 55%-80%之间，需要结合其它方法进一步的鉴定认证其相关性。

（三）样本分型结果

细胞的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞 STR 信息			细胞库细胞 STR 信息		
	送检细胞名：SNU449			细胞库细胞名：SNU-449		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
D5S818	10	10		10	10	
D13S317	9	9		9	9	
D7S820	8	13		8	13	
D16S539	9	9		9	9	
VWA	14	16		14	16	
TH01	6	9		6	9	
AMEL	X	X		X	X	
TPOX	11	11		11	11	
CSF1PO	11	11		11	11	
D12S391	17	18				
FGA	22	24				
D2S1338	19	19				
D21S11	29	31				
D18S51	14	16				
D8S1179	10	13				
D3S1358	15	16				
D6S1043	19	19				
PENTAE	10	15				
D19S433	15.2	17.2				
PENTAD	10	11				
D1S1656	15	17				

其 他 说 明

(一) 分型方案及位点分布

	方案 1	方案 2	方案 3	方案 4
1	D3S1358	D8S1179	D19S433	AMEL
2	VWA	D21S11	TH01	D1S1656
3	D7S820	D16S539	D13S317	D5S818
4	CSF1PO	D2S1338	TPOX	D12S391
5	PENTAE	PENTAD	D18S51	FGA
6			D6S1043	

实验方案及位点

(二) STR 数据库比对

本公司采用 DSMZ tools 进行细胞系比对，其中包含来自于 ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN 数据库的 2455 个细胞系 STR 数据。如果待检测细胞未收录于以上细胞库或这是自行建立的新细胞系将无法进行比对，用户需根据细胞分型结果自行与其他数据库进行比对。

(三) 文献引用参考

ATCC SDO. 2011. ASN-0002. Authentication of Human Cell Lines: Standardization of STR Profiling. ANSI eStandards Store, by ATCC-Standards Development Organization (SDO). https://webstore.ansi.org/standards/atcc/ansiatccasn00022011. Accessed: September, 2021.

主要实验人员：何秀川
复核人: 张晨茜
负责人： 王敏

签发日期：2024-02-29

细胞遗传质量鉴定检测

Cell Line Authentication Service

STR 基因型检测报告

送检单位：镜像绮点

检品名称：细胞系

检测单位：上海翼和应用生物技术有限公司

报告日期：2024-05-29

Biowing Biotechnology, Shanghai, China 邮箱：zhusn@biowing.com.cn 技术服务咨询：86+18521538068
联系地址：上海市松江区广富林街龙腾路 1015 弄 2 号楼 518 室

报 告 说 明

1. 本报告只对送检的来样负责。
2. 检验报告上的检验结果和检验单位名称，未经同意不得用于广告、评优及商业宣传。
3. 对本报告有异议，请于收到报告之日起十五日内以书面方式提出，逾期不予受理。
4. 对纸质检验报告涂改、增删，或未加盖检验单位印章的复印件均无效。

Biowing Biotechnology, Shanghai, China 邮箱：zhusn@biowing.com.cn 技术服务咨询：86+18521538068
联系地址：上海市松江区广富林街龙腾路 1015 弄 2 号楼 518 室

样 品 信 息

样品编号：

客户样本编号	公司编号
hepG2	20240527-01

样品数量： 1

样品性状： 细胞系

检测项目： STR

送检单位： **镜像绮点**

检测方法： 用 Axygen 的基因组抽提试剂盒提取 DNA，采用 21- STR 扩增方案扩增，在 ABI 3730XL 型遗传分析仪上对 STR 位点和性别基因 Amelogenin 进行检测。

Biowing Biotechnology, Shanghai, China 邮箱：zhusn@biowing.com.cn 技术服务咨询：86+18521538068
联系地址：上海市松江区广富林街龙腾路 1015 弄 2 号楼 518 室

检 测 结 果

(一) 检验基本情况

公司编号	多等位基因	匹配细胞系	细胞库	EV 值	匹配说明
20240527-01	无	GS-HepG2	DSMZ	1.0	完全匹配

样本基因型检验结果

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。
- 本次检测各细胞分型结果良好。

(二) 各样本描述

- 20240527-01：该株细胞 DNA 分型在细胞系检索中找到**完全匹配**的细胞系，DSMZ 数据库显示细胞名为 **GS-HepG2**，细胞号对应 **RCB1681**。本次检测在该细胞系中**没有发现多等位基因**。

EV	Cell No.	Cell name	Locus names								
			D5S818	D13S317	D7S820	D16S539	VWA	TH01	AM	TPOX	CSF1PO
	Query (Your Cell)		11,12	9,13	10,10	12,12	17,17	9,9	X,Y	8,9	10,11
1.0(36/36)	RCB1681	GS-HepG2	['11', '12']	['9', '13']	['10', '10']	['12', '12']	['17', '17']	['9', '9']	['X', 'Y']	['8', '9']	['10', '11']
0.94(34/36)	ACC-180	HEP-G2	['11', '12']	['9', '13']	['10', '10']	['12', '13']	['17', '17']	['9', '9']	['X', 'Y']	['8', '9']	['10', '11']

备注：待测细胞系与收录于 ATCC, DSMZ（DSMZ 收录了来自 ATCC、 DSMZ、JCRB 和 RIKEN 等 2490 株细胞的 STR 数据）, ExPASy 细胞库（ExPASy 收录了来自于 ATCC、DSMZ、JCRB、ECACC 和 Riken 等数据库约 8,000 株人源细胞 STR 数据）中的 STR 数据匹配，未收录于上述细胞库的细胞将无法匹配。根据 ATCC 标准委员会鉴定标准（ANSI/ATCC ASN-0002-2022）,匹配度 EV≥80%认为它们具有相关性，可能衍生于共同的祖先细胞；匹配度 55%-80%之间，需要结合其它方法进一步的鉴定认证其相关性。

Biowing Biotechnology, Shanghai, China 邮箱：zhusn@biowing.com.cn 技术服务咨询：86+18521538068
联系地址：上海市松江区广富林街龙腾路 1015 弄 2 号楼 518 室

（三）样本分型结果

细胞的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞 STR 信息			细胞库细胞 STR 信息		
	送检细胞名：hepG2			细胞库细胞名：GS-HepG2		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
D5S818	11	12		11	12	
D13S317	9	13		9	13	
D7S820	10	10		10	10	
D16S539	12	12		12	12	
VWA	17	17		17	17	
TH01	9	9		9	9	
AMEL	X	Y		X	Y	
TPOX	8	9		8	9	
CSF1PO	10	11		10	11	
D12S391	21	25				
FGA	22	25				
D2S1338	19	20				
D21S11	29	31				
D18S51	13	14				
D8S1179	15	16				
D3S1358	15	16				
D6S1043	13	13				
PENTAE	15	20				
D19S433	15.2	15.2				
PENTAD	9	13				
D1S1656	11	12				

Biowing Biotechnology, Shanghai, China 邮箱：zhusn@biowing.com.cn 技术服务咨询：86+18521538068
联系地址：上海市松江区广富林街龙腾路 1015 弄 2 号楼 518 室

其他说明

(一) 分型方案及位点分布

	方案 1	方案 2	方案 3	方案 4
1	D3S1358	D8S1179	D19S433	AMEL
2	VWA	D21S11	TH01	D1S1656
3	D7S820	D16S539	D13S317	D5S818
4	CSF1PO	D2S1338	TPOX	D12S391
5	PENTAE	PENTAD	D18S51	FGA
6			D6S1043	

实验方案及位点

(二) STR 数据库比对

本公司采用 DSMZ tools 进行细胞系比对，其中包含来自于 ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN 数据库的 2455 个细胞系 STR 数据。如果待检测细胞未收录于以上细胞库或这是自行建立的新细胞系将无法进行比对，用户需根据细胞分型结果自行与其他数据库进行比对。

(三) 文献引用参考

ATCC SDO. 2011. ASN-0002. Authentication of Human Cell Lines: Standardization of STR Profiling. ANSI eStandards Store, by ATCC-Standards Development Organization (SDO). https://webstore.ansi.org/standards/atcc/ansiatccasn00022011. Accessed: September, 2021.

主要实验人员：何秀川

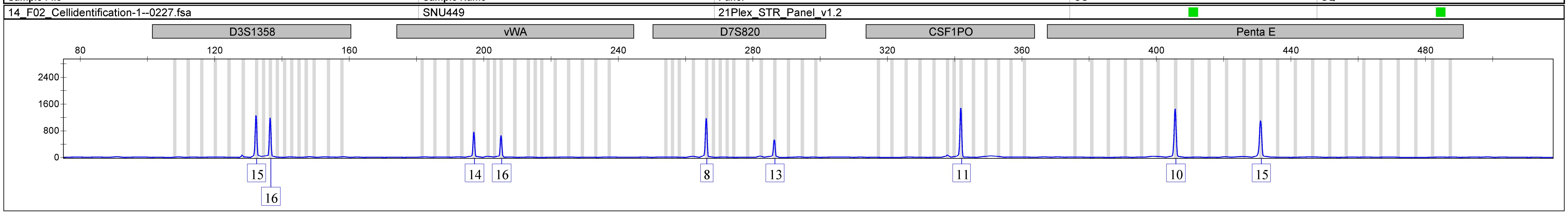
复核人: 张晨茜

负责人： 王敏

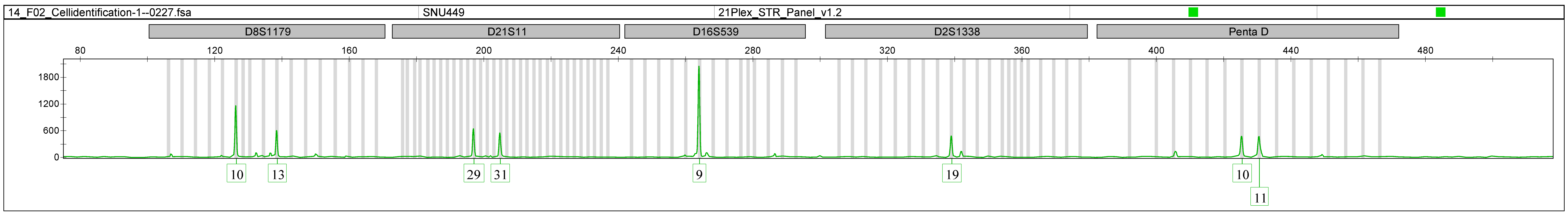
签发日期：2024-05-29

Biowing Biotechnology, Shanghai, China 邮箱：zhusn@biowing.com.cn 技术服务咨询：86+18521538068
联系地址：上海市松江区广富林街龙腾路 1015 弄 2 号楼 518 室

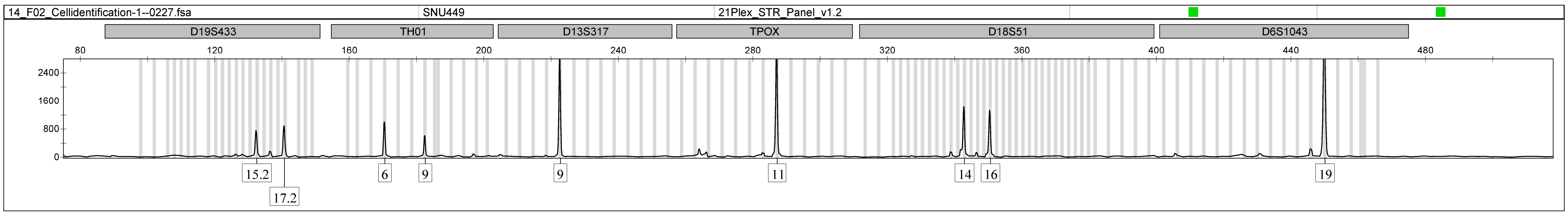
Sample File	Sample Name	Panel	OS	SQ
14_F02_Cellidentification-1--0227.fsa	SNU449	21Plex_STR_Panel_v1.2		



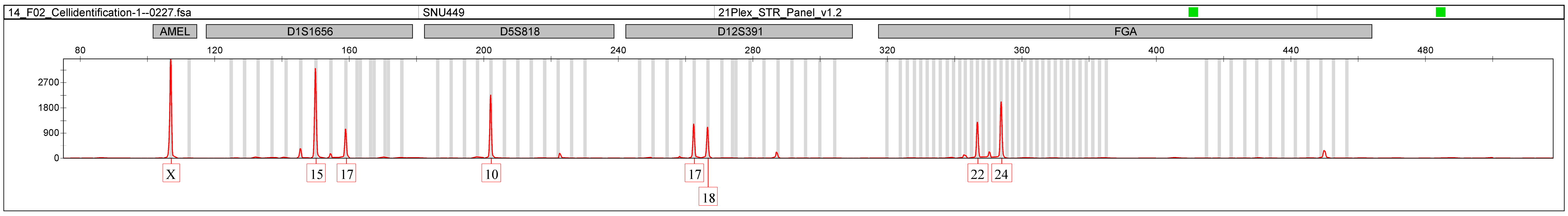
14_F02_Cellidentification-1--0227.fsa	SNU449	21Plex_STR_Panel_v1.2		



14_F02_Cellidentification-1--0227.fsa	SNU449	21Plex_STR_Panel_v1.2		



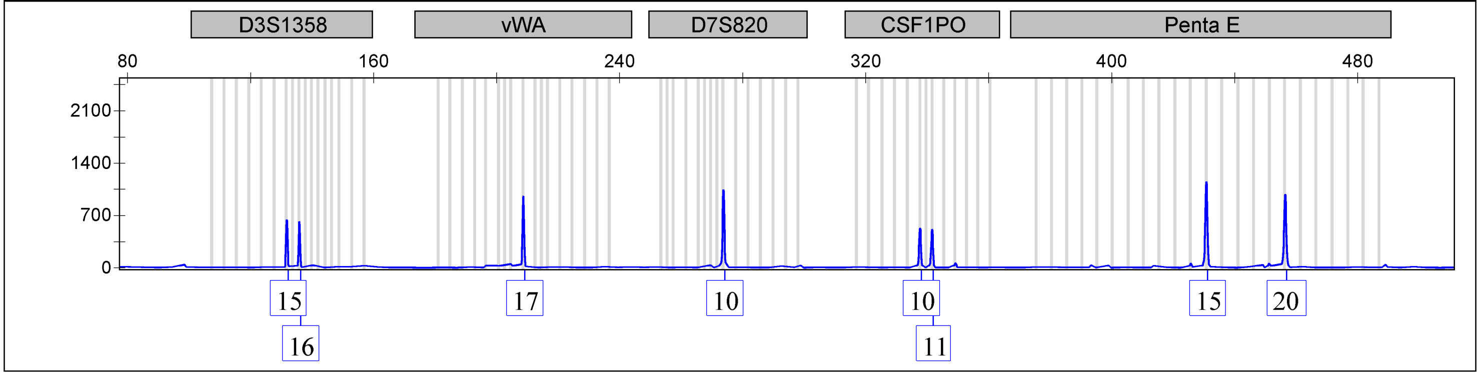
14_F02_Cellidentification-1--0227.fsa	SNU449	21Plex_STR_Panel_v1.2		



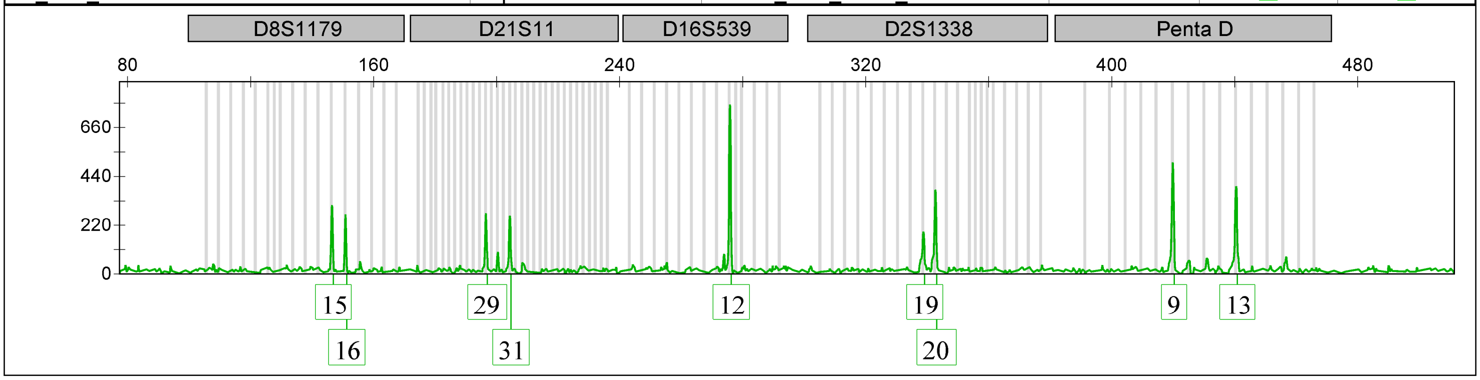
GeneMapper ID v3.2

20240527

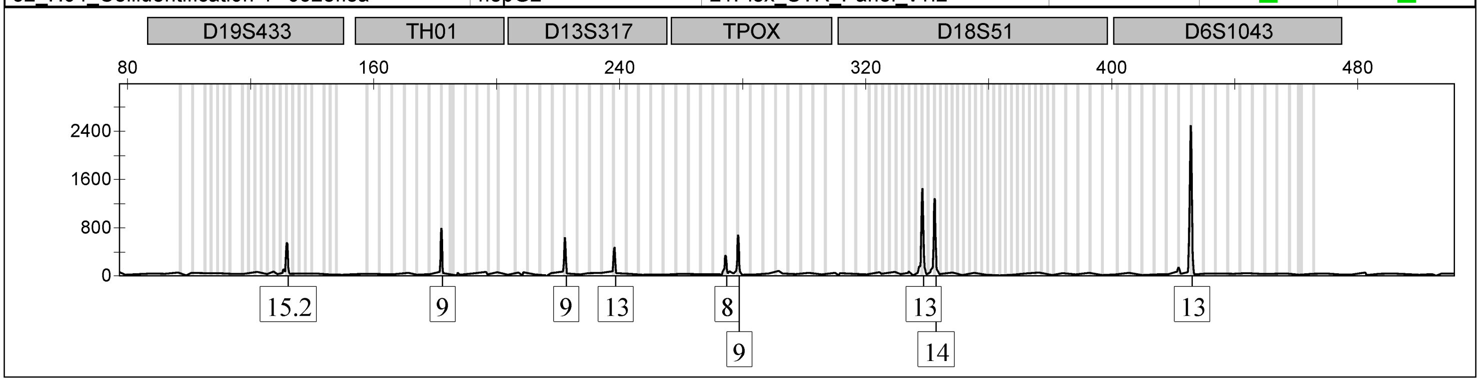
Sample File	Sample Name	Panel	SQO	OS	SQ
32_H04_Cellidentification-1--0528.fsa	hepG2	21Plex_STR_Panel_v1.2			



32_H04_Cellidentification-1--0528.fsa	hepG2	21Plex_STR_Panel_v1.2			



32_H04_Cellidentification-1--0528.fsa	hepG2	21Plex_STR_Panel_v1.2			



32_H04_Cellidentification-1--0528.fsa	hepG2	21Plex_STR_Panel_v1.2